doi: 10.7499/j.issn.1008-8830.2016.10.024

论著·实验研究

沉默 Nogo-66 受体的表达对宫内感染所致 早产大鼠脑损伤的神经保护作用

张士发1 周燕1 张开京1 栾家杰2 齐世美3

(皖南医学院第一附属医院 1. 儿科; 2. 药剂科, 安徽 芜湖 241001;3. 皖南医学院生物化学教研室, 安徽 芜湖 241002)

目的 探讨特异性 siRNA 沉默 Nogo-66 受体 (NgR) 对宫内感染所致早产大鼠脑损伤修复的影 [摘要] 响及作用机制。方法 孕 15 d Sprague-Dawley 大鼠分别应用 RU486 和 LPS 诱导早产,随机选取 RU486 诱导的 早产大鼠为对照组,将 LPS 诱导的宫内感染致脑损伤早产大鼠随机分为模型组、空载体组和 NgR-siRNA 组,每 组 36 只。对照组和模型组仅给予常规饲养,空载体组和 NgR-siRNA 组均于出生后第 1 天(P1)经侧脑室 1 次 性注入慢病毒空载体和 NgR-siRNA 慢病毒载体后常规饲养。各组分别于 P3、P7、P14 时随机选取 8 只早产大鼠 断头取脑。RT-PCR 检测 NgR mRNA 表达, Western blot 测定活性 RhoA 蛋白表达, 免疫荧光组化检测小胶质细 胞活化程度和少突胶质前体细胞(OPCs)形态,苏木精-伊红染色观察脑组织病理学改变,P30时行动物行为 学评分。结果 P3 时,NgR-siRNA 组脑组织 NgR mRNA 表达量、活性 RhoA 蛋白水平显著低于模型组和空载体 组(P<0.05);各组 NgR mRNA 表达量与活性 RhoA 蛋白水平均呈正相关性(分别 r=0.792、0.747、0.827、0.825, P<0.05)。免疫荧光组化结果显示,NgR-siRNA 组 P3 时小胶质细胞 CD11b 荧光强度值较模型组和空载体组明 显减弱(P<0.05);各组 O4 抗体标记的 OPCs 细胞形态主要呈现三极突起形态。病理学结果显示,对照组脑室 周围白质结构正常,染色清晰;模型组和空载体组白质结构疏松,纤维紊乱,可见软化灶;NgR-siRNA 组白质 结构疏松,纤维紊乱相对较轻,胶质细胞增生不明显,无明显软化灶。行为学评分显示,NgR-siRNA组的悬吊 实验评分、活动总路程、平均速度和跨格次数大于模型组和空载体组,而斜坡实验时间及中心区活动时间和路 程明显少于模型组和空载体组(P<0.05),但同对照组比较差异均无统计学意义(P>0.05)。结论 NgR 特异 性 siRNA 可有效沉默宫内感染所致脑损伤早产大鼠 NgR 基因表达,在脑损伤后的修复中具有显著神经保护作用。 [中国当代儿科杂志, 2016, 18(10): 1035-1043]

[关键词] Nogo-66 受体; siRNA; 宫内感染; 早产; 大鼠

Neuroprotective effect of Nogo-66 receptor silencing in preterm rats with brain injury caused by intrauterine infection

ZHANG Shi-Fa, ZHOU Yan, ZHANG Kai-Jing, LUAN Jia-Jie, QI Shi-Mei. Department of Pediatrics, First Affiliated Hospital of Wannan Medical College, Wuhu, Anhui 241001, China (Email: wuhuzhangsf@163.com)

Abstract: Objective To investigate the effect of Nogo-66 receptor (NgR) silencing with specific small interfering RNA (siRNA) on brain injury repair in preterm rats with brain injury caused by intrauterine infection and related mechanism of action. **Methods** The pregnant Sprague-Dawley rats (with a gestational age of 15 days) were selected, and premature delivery was induced by RU486 or lipopolysaccharide (LPS). The preterm rats delivered by those treated with RU486 were selected as the control group. The preterm rats with brain injury caused by intrauterine infection induced by LPS were divided into model, empty vector, and NgR-siRNA groups, with 36 rats in each group. The rats in the control and model groups were given routine feeding only, and those in the empty vector and NgR-siRNA groups were given an injection of lentiviral empty vector or NgR-siRNA lentivirus via the lateral ventricle on postnatal day 1 (P1) and then fed routinely. On P3, P7, and P14, 8 rats in each group were randomly selected and sacrificed to harvest the brain tissue. RT-PCR was used to measure the mRNA expression of NgR. Western blot was used to to measure

[基金项目]安徽省高等学校省级自然科学研究重点项目(KJ2013A252)。

[[]收稿日期] 2016-05-05; [接受日期] 2016-07-14

[[]作者简介]张士发,男,硕士,主任医师,副教授。

the protein expression of active RhoA. The immunofluorescence histochemistry was used to determine the degree of activation of microglial cells and the morphology of oligodendrocyte precursor cells (OPCs). Hematoxylin and eosin staining was used to observe the pathological changes in brain tissue. The behavioral score was evaluated on P30. Results On P3, the NgR-siRNA group had significantly lower mRNA expression of NgR and protein expression of active RhoA in brain tissue than the model and empty vector groups (P<0.05). In each group, the mRNA expression of NgR was positively correlated with the protein expression of active RhoA (P<0.05). The results of immunofluorescence histochemistry showed that on P3, the NgR-siRNA group had a significantly reduced fluorescence intensity of the microglial cells labeled with CD11b compared with the model and empty vector groups (P<0.05). The OPCs labeled with O4 antibody in the four groups were mainly presented with tripolar cell morphology. The results of pathological examination showed a normal structure of white matter with clear staining in the periventriclar area in the control group, a loose structure of white matter with disorganized fibers and softening lesions in the model and empty vector groups, and a loose structure of white matter with slightly disorganized fibers, slight gliocyte proliferation, and no significant necrotic lesions in the NgR-siRNA group. As for the behavioral score, compared with the model and empty vector groups, the NgR-siRNA group had a higher score in the suspension test, a longer total activity distance, and greater mean velocity and number of squares crossed, as well as a shorter time of slope test and a shorter time and distance of activity in the central area (P<0.05), while there were no significant differences in these parameters between the NgR-siRNA and control groups (P>0.05). Conclusions NgR silencing with specific siRNA can effectively silence the expression of NgR in pertem rats with brain injury caused by interauterine infection and has a significant neuroprotective effect in brain injury repair. [Chin J Contemp Pediatr, 2016, 18(10): 1035-1043]

Key words: Nogo-66 receptor; Small interfering RNA; Intrauterine infection; Premature delivery; Rats

随着围产医学的发展, 早产儿的出生率和存 活率越来越高, 早产儿脑损伤引起的远期神经系 统后溃症发病率也逐年增加,给社会和家庭带来 了严重的负担[1-2]。宫内感染是引起早产的主要因 素之一,临床和动物实验研究证实^[3-5],宫内感染/ 炎症时,孕母和胎儿体内细胞因子网络激活,尤 其小胶质细胞的激活,导致组成脑白质的主要细 胞, 少突胶质前体细胞 (oligodendrocyte precursor cells, OPCs)的损伤,是宫内感染所致早产儿发生 脑白质坏死、髓鞘减少或髓鞘合成延迟、轴突损 伤以及神经元凋亡/坏死等的关键机制,也是宫 内感染所致脑损伤早产儿发生远期神经系统后遗 症的重要机制。Nogo-66 受体 (Nogo-66 receptor, NgR) 广泛分布在中枢神经系统 (central nervous system, CNS),神经元细胞和非神经元细胞均有表 达,因其介导抑制成年人轴突损伤后再生而受到 广泛关注^[6-7]。研究表明^[8],各年龄组大鼠 CNS 均 有 NgR 表达, 高表达始于新生鼠, 以抑制突触形成。 而成年大鼠大脑中动脉阻塞后 1~3 d 脑组织 NgR 表达达到第1个高峰¹⁹。创伤性脑损伤后高表达的 NgR 抑制神经再生和重塑^[10]。在认知障碍大鼠中, NgR 表达和轴突生长呈负相关,抑制海马神经元 NgR的表达,促进轴突生长^[11]。Pourabdolhossein 等^[12]研究发现,抑制 NgR 表达可促进成年小鼠视 神经交叉非免疫局灶性脱髓鞘的修复,增加 OPCs 在损伤区的聚集。此外, NgR 在小胶质细胞的表

达,是导致 CNS 损伤后小胶质细胞损伤区聚集和 持久性神经炎症的主要原因之一^[7]。这些结果表明 NgR 与小胶质细胞的活化、轴突生长和髓鞘发育、 损伤后神经再生和重塑密切相关。本研究假设抑 制 NgR 表达可以通过阻止抑制因子传导通路促进 损伤神经再生,而 NgR 主要通过 Rho-ROCK 信号 通路发挥抑制作用。本实验应用宫内感染所致早 产大鼠脑损伤模型,经侧脑室一次性注射 NgR 特 异性 siRNA,观察脑组织中 NgR 表达,并测定活 性 RhoA 变化及小胶质细胞活化程度等,探讨沉默 NgR 基因表达在宫内感染所致早产大鼠脑损伤修 复中的可能作用及机制。

1 材料与方法

1.1 材料

实验试剂包括脂多糖(LPS, Sigma 公司), 米菲司酮(RU486,北京紫竹药业有限公司), TRIzol试剂(Invitrogen 公司), RT 逆转录试剂 盒(Fermentas 公司), Q-PCR 试剂盒(Takara 公 司),活化 RhoA(GTP 结合 RhoA)分离提取试 剂盒(Thermo&Scientific 公司),β-actin 抗体(上 海碧云天生物技术公司),β-actin 抗体(上 海碧云天生物技术公司),RhoA 多抗(Thermo Scientific Pierce), CD11b 抗体(abcam 公司), O4抗体(Millpore 公司),FIIC 二抗(Biolegend 公司), 倒置相差荧光显微镜 IX50(OLYMPUS 株式会社), NgR-siRNA 慢病毒载体和慢病毒空载体(滴度为 10°,苏州吉玛基因股份有限公司)。

1.2 实验动物模型的建立及分组

SPF级健康5月龄 Sprague-Dawley 大鼠40只, 孕 15 d, 体重 380~420 g, 由南京市江宁区青龙山 动物繁殖场提供,动物自由进食水。参照文献^[13] 并改良,随机选取10只孕鼠,颈部皮下注射 RU486, 每次每只 0.15 mg, 每日 1 次, 连用两日, 待其自然分娩,获胎龄小于22d的单纯早产大 鼠,从中随机选取36只,雌雄不拘,为对照组。 另 30 只孕鼠,于腹中线处腹腔内注射 LPS,每次 0.25 mg/kg,每日1次,连用两日,待其自然分娩, 获胎龄小于22d的宫内感染致脑损伤早产大鼠, 雌雄不拘,随机分为模型组、空载体组和 NgRsiRNA组,每组36只。对照组和模型组早产大 鼠出生后不给于特殊干预,返回母鼠身边常规饲 养; 空载体组和 NgR-siRNA 组均于出生后第1天 (P1)使用脑立体定位仪分别从侧脑室经微量注 射器一次性注射滴度为 10° 慢病毒空载体和 NgRsiRNA 慢病毒载体 250 µL/kg (侧脑室注射点为前 囟后1mm、前囟右1mm,深度1mm),返回母 鼠身边常规饲养。

1.3 标本制备

按照实验设计,各组于 P3、P7、P14 各随机 选取 8 只早产大鼠,经 20% 乌拉坦腹腔注射麻醉, 4% 多聚甲醛行全身灌注固定,断头取脑,半侧脑 组织于 4℃ 4% 多聚甲醛中固定 24 h,然后依次置 入梯度为 15%、20% 和 30% 的磷酸盐缓冲液蔗糖 溶液中分别过夜沉底,取下丘脑部位冠状切面,-20℃恒冷切片机行 10 μm 连续切片,用于免疫荧 光组化。另外半侧脑组织,其中 6 只于 -80℃冻存, 用于活化 RhoA 蛋白和 NgR mRNA 的检测; 2 只用 于苏木精 - 伊红(HE) 染色。

1.4 免疫荧光组化

脑组织冰冻切片 4℃丙酮固定,TBS 清洗、封闭 1 h,分别加 O4、CD11b 一抗(1:200)4℃过夜,FIIC 二抗孵育(1:1600)2 h,免疫荧光防淬 灭剂封片,O4标记 OPCs,CD11b标记小胶质细胞, 倒置相差荧光显微镜观察 O4标记的 OPCs 形态及 小胶质细胞 CD11b 的荧光强度。CD11b 的荧光强 度值计算:每个脑组织随机选取 5 张切片,每张 切片随机观察 5 个视野,在相同荧光背景下运用 image J 软件计算出每张切片的荧光强度值,5 张 切片的平均值为该脑组织荧光强度值。

1.5 苏木精 – 伊红染色

冰冻切片丙酮固定 1 min, 无水乙醇 1 min, 清洗, 苏木素染色 1 min, 伊红染色 15~20 s, 酒精 分化, 清洗。脱水、透明、封片。

1.6 Real-Time PCR 测定脑组织 NgR mRNA

采用 Primer Premier 5.0 软件设计引物, 由上海生物工程有限公司合成。NgR上游序 列 5'-GCGTCTGCTGGAAATGCAC-3', 下 游 序 列 5'-AAAGTCCCAAATGGAGAGTCATTG-3', 扩 增 产 物 为 109 bp; β-actin 上 游 序 列 5'-TGACGTGGACATCCGCAAAG-3', 下游序列 5'-CTGGAAGGTGGACAGCGAGG-3', 扩增产物为 200 bp。引物设计后通过 BLAST 分析 (www. ncbi. nlm. nih. gov/BLAST)避免扩增的序列存在非特异 性,用 Oligo demo 软件测试序列无引物二聚体形 成。TRIzol 提取总 RNA,按逆转录试剂盒说明书 逆转录为 cDNA。PCR 反应体系(10 μL): 20 mM 上下游引物各 0.1 µL, cDNA 0.1 µL, RoxII 0.2 µL, SYBR Premix 5 µL, ddH₂O 4.5 µL; PCR 反应程序: 94℃10s;94℃10s,60℃30s,40个循环。用 Real-Time PCR 仪(Bio-Rad 公司)进行反应,获 得目的基因和内参基因 Ct 值。根据 2^{-ΔΔCt} 公式对 目的基因进行相对定量分析。

1.7 Western blot 检测脑白质活化 RhoA 蛋白

按活化 RhoA (GTP-RhoA)分离提取试剂盒 说明书操作,提取脑组织活化 RhoA 蛋白,取上 样蛋白 110 V 恒压电泳 2~3 h。凝胶转移至固相支 持物,膜封闭,ECL 显色,凝胶成像仪成像并检 测其 IOD 值。目的蛋白条带和内参β-actin 条带的 IOD 比值表示目的蛋白相对表达量。

1.8 行为学检测

各组取12只早产大鼠于P30时行行为学检测, 行为学检测实验参考文献^[14-15]。

(1) 旷场实验:实验装置由旷场反应箱和数据自动采集处理系统两部分组成,由宁波安来软件科技有限公司提供(AniLab ver 6.52)。大鼠旷场反应箱高40 cm,底边长100 cm,内壁涂黑,底面平均分为25个4 cm×4 cm小方格,正上方2 m处架一数码摄像头,其视野可覆盖整个旷场内部。实验室背景噪音控制在65 dB 以下,将实验大鼠

放入箱内底面中心,同时进行摄像和计时。观察 5 min。选择旷场中的总路程、平均速度、跨格次 数和中心区域活动时间及距离作为参考指标。注 意两次实验之间清洗实验设备,以免上次动物余 留信息影响下次实验结果。

(2) 悬吊实验:将一直径约 0.5 cm 的透明 玻璃棒平行固定于距离桌面 45 cm 左右的位置,使大鼠脚紧抓玻璃棒,记录大鼠掉下的时间,具体评分标准为:<10 s 得 1 分; 10~30 s 得 2 分;
30~120 s 得 3 分; 2~5 min 得 4 分; >5 min 得 5 分。

(3) 斜坡实验:将大鼠头向下置于45°的斜面上,记录大鼠头向上大于135°的时间,以秒进行计算。

1.9 统计学分析

使用 SPSS 10.0 统计软件对数据进行统计学分析,计量资料以均数 ± 标准差(x±s)表示。多 组间比较采用单因素方差分析,组间两两比较采用 SNK-q 检验, P<0.05 为差异有统计学意义。

2 结果

2.1 NgR mRNA 相对表达量

在 P3 时,模型组和空载体组脑组织 NgR mRNA 的表达量显著高于对照组(P<0.05), NgR-siRNA 组 NgR mRNA 的表达量显著低于模型 组和空载体组(P<0.05),但同对照组比较差异 无统计学意义(P>0.05);但至 P7、P14 时,各 组间 NgR mRNA 表达量比较差异均无统计学意义 (P>0.05)。见表 1,图 1。

表 1 各组大鼠不同时间点脑组织 NgR mRNA 相对表达 量比较 (x̄±s, ×10⁻³)

分组	п	Р3	P7	P14
对照组	6	3.6 ± 0.9	9.8 ± 2.4	13.1 ± 2.3
模型组	6	$7.7 \pm 2.0^{\text{a}}$	9.0 ± 1.9	14.8 ± 2.7
空载体组	6	7.9 ± 2.3^{a}	9.6 ± 1.8	13.2 ± 3.5
NgR-siRNA 组	6	$4.0\pm0.8^{\rm b,c}$	8.5 ± 1.1	13.3 ± 2.6
F 值		12.063	0.683	0.516
P 值		< 0.001	0.573	0.676

注: a 示 与 对 照 组 比 较, P<0.05; b 示 与 模 型 组 比 较, P<0.05; c 示与空载体组比较, P<0.05。



图 1 RT-PCR 检测各组早产鼠各时间点脑组织 NgR mRNA 相对表达量(*n*=6) a示与对照组比较, *P*<0.05, b示与模型组比较, *P*<0.05, c示与空载体组比较, *P*<0.05。

2.2 活性 RhoA 蛋白表达水平

在 P3 时,模型组和空载体组脑组织活性 RhoA 蛋白水平高于对照组(P<0.05),NgRsiRNA 组活性 RhoA 蛋白水平明显低于模型组和空 载体组(P<0.05),且与对照组比较,差异无统 计学意义(P>0.05);至 P7 时,NgR-siRNA 组脑 组织活性 RhoA 蛋白水平均低于对照组、模型组 和空载体组(P<0.05),对照组、模型组和空载 体组间比较差异无统计学意义(P>0.05);至 P14 时,各组间 RhoA 蛋白水平比较差异无统计学意义 (P>0.05)。见表 2,图 2。

	表 2	各组大鼠不同时间点脑组织活性 RhoA 蛋白表达量比较	$(\overline{x} \pm s)$
--	-----	-----------------------------	------------------------

分组	п	Р3	P7	P14
对照组	6	0.700 ± 0.101	0.853 ± 0.026	1.079 ± 0.081
模型组	6	$0.908 \pm 0.078^{\circ}$	0.865 ± 0.031	1.022 ± 0.102
空载体组	6	0.907 ± 0.122^{a}	0.863 ± 0.035	1.106 ± 0.102
NgR-siRNA 组	6	$0.766 \pm 0.062^{\rm b,c}$	$0.807 \pm 0.024^{\mathrm{a,b,c}}$	1.050 ± 0.085
<i>F</i> 值		7.4156	5.6172	0.8930
<i>P</i> 值		0.0016	0.0058	0.4619

注: a示与对照组比较, P<0.05; b示与模型组比较, P<0.05; c示与空载体组比较, P<0.05。



图 2 Western blot 检测各组早产鼠各时间点脑组织活性 RhoA 蛋白水平 (n=6)A: 对照组, B: 模型组, C: 空载体组, D: NgR-siRNA 组。

2.3 各组 NgR mRNA 表达与活性 RhoA 蛋白表 达的相关性分析

对照组、模型组、空载体组和 NgR-siRNA 组

NgR mRNA 相对表达量与活性 RhoA 蛋白水平均 呈正相关(分别r=0.792、0.747、0.827、0.825, P<0.05)。见图 3。



各组 NgR mRNA 表达与活性 RhoA 蛋白表达的相关性分析图 图 3

2.4 各组 CD11b 标记的小胶质细胞免疫荧光强 度

在 P3 时,模型组和空载体组脑组织中小胶质 细胞表面 CD11b 荧光强度高于对照组(P<0.05), NgR-siRNA 组小胶质细胞表面 CD11b 荧光强度较 模型组和空载体组明显减弱(P<0.05),但与对照 组比较差异无统计学意义(P>0.05)。在 P7 时, 模型组和空载体组小胶质细胞表面 CD11b 荧光强 度仍高于对照组(P>0.05), NgR-siRNA 组荧光强 度仍然弱于模型组和空载体组(P<0.05),同对照 组比较差异无统计学意义(P>0.05)。在 P14 时,

各组间的比较脑组织中小胶质细胞表面 CD11b 荧 光强度差异无统计学意义(P>0.05)。见表 3, 图 4。

2.5 各组 O4 抗体标记的 OPCs 形态

在 P3 时,各组多数 O4⁺ 细胞呈现为三极突起 的少突胶质-2型星型前体细胞形态,少数细胞呈 现多突起的分裂末期 OPCs 形态。至 P7、P14 时, 对照组和 NgR-siRNA 组仅少数 O4⁺ 细胞呈三极突 起形态,多数细胞呈多突起形态,细胞相互间连 接成网状结构;而模型组和空载体组仅有少数细 胞呈三极突起形态,绝大多数为散在分布、形态 不一的细胞。见图 5。

	表 3	各组不同时间点脑	函组织 CD11b 标记的小胶	质细胞平均荧光强度比较	$(\bar{x} \pm s)$	
全组		п	P3	P7		P

分组	п	Р3	Р7	P14
对照组	8	70.4 ± 1.9	65.1 ± 2.1	61.8 ± 2.7
模型组	8	81.8 ± 3.5^{a}	73.7 ± 2.1^{a}	61.0 ± 1.5
空载体组	8	$78.6 \pm 3.2^{\circ}$	$71.6 \pm 2.4^{\circ}$	62.4 ± 3.4
NgR-siRNA 组	8	$69.5 \pm 2.7^{\rm b,c}$	$65.5 \pm 2.4^{\rm b,c}$	60.4 ± 1.9
F 值		35.811	29.846	1.005
<i>P</i> 值		< 0.001	< 0.001	0.405

注: a示与对照组比较, P<0.05; b示与模型组比较, P<0.05; c示与空载体组比较, P<0.05。



图 4 免疫荧光检测不同时间点各组早产大鼠脑组织中 CD11b 标记的小胶质细胞荧光强度(×400) 在 P3、P7 时,模型组和空载体组早产大鼠脑组织荧光强度强于对照组和 NgR-siRNA 组。



图 5 免疫荧光观察不同时间点各组早产大鼠脑组织中 O4 抗体标记的 OPCs 形态(×400) 在 P3 时,各 组细胞多数呈现为三极突起的少突胶质 -2 型星型前体细胞形态,至 P7、P14 时,模型组和空载体组仅有少数 O4*细胞呈三 极突起形态,多数为散在分布、形态不一的细胞。O4 标记阳性的 OPCs 呈红色。

2.6 脑组织病理变化

对照组在各时间点均可见脑室周围白质结构 清晰,神经纤维走向整齐,排列致密;模型组和 空载体组,在P3时,可见脑室周围白质结构疏松、 纤维紊乱及软化灶,至P7、P14时损伤的白质区 可见大量胶质细胞增生,神经纤维呈网状或条索状; NgR-siRNA 组在各时间点均可见脑室周围白质神经纤维紊乱及结构疏松相对较轻,胶质细胞增生不明显,未见明显软化灶。见图 6。



图 6 各组早产鼠在不同时间脑组织病理学变化 对照组在各时间点均可见脑室周围白质结构清晰,神经纤维走向整齐,排列致密;模型组和空载体组,在 P3 时可见脑室周围白质结构疏松、纤维紊乱及软化灶,至 P7、P14 时损伤白质 区可见大量胶质细胞增生,神经纤维呈网状或条索状; NgR-siRNA 组在各时间点均可见脑室周围白质神经纤维紊乱及结构疏 松相对较轻,胶质细胞增生不明显,未见明显软化灶。箭头所示为软化灶。

2.7 行为学检测

对 P30 时早产大鼠进行的神经行为学检测 评分结果显示,模型组和空载体组悬吊实验评 分均低于对照组,斜坡实验时间均长于对照组 (P<0.05)。NgR-siRNA 组悬吊实验评分高于模 型组和空载体组,斜坡实验时间较模型组和空载 体组明显缩短(P<0.05);但同对照组比较差异 均无统计学意义(P>0.05)。旷场实验结果显示: 模型组和空载体组活动总路程、平均速度和跨格 次数均小于对照组,中心区活动时间和路程均大 于对照组(P<0.05)。NgR-siRNA 组活动总路程、 平均速度和跨格次数均大于模型组和空载体组, 中心区活动时间和路程明显少于模型组和空载体 组(P<0.05);但与对照组比较差异无统计学意义(P>0.05)。见表 4~5。

表 4 各组早产大鼠行为学检测评分比较 $(\bar{x} \pm s)$

分组	п	悬吊实验	斜坡实验(s)
对照组	12	3.5 ± 0.8	3.1 ± 0.8
模型组	12	2.2 ± 0.9^{a}	5.4 ± 0.9^{a}
空载体组	12	2.3 ± 0.9^{a}	$5.5 \pm 0.8^{\circ}$
NgR-siRNA 组	12	$3.4\pm0.9^{\rm b,c}$	$3.7 \pm 0.9^{\mathrm{h,c}}$
F 值		7.592	25.220
P 值		< 0.001	< 0.001

注: a 示 与 对 照 组 比 较, P<0.05; b 示 与 模 型 组 比 较, P<0.05; c 示与空载体组比较, P<0.05。

分组	n	总路程 (cm)	平均速度 (cm/s)	跨格次数	中心区活动时间 (s)	中心区活动路程 (cm)
对照组	12	2606 ± 304	16.1 ± 3.3	102 ± 14	13.5 ± 2.8	75 ± 11
模型组	12	1844 ± 252^{a}	11.6 ± 2.9^{a}	71 ± 9^{a}	18.0 ± 3.6^{a}	205 ± 37^{a}
空载体组	12	1991 ± 299^{a}	11.9 ± 1.9^{a}	79 ± 12^{a}	17.5 ± 3.4^{a}	204 ± 35^{a}
NgR-siRNA 组	12	$2501\pm332^{\rm b,c}$	$15.4 \pm 3.1^{\rm b,e}$	$97 \pm 17^{\mathrm{b,c}}$	$14.5\pm2.9^{\rm b,e}$	$91 \pm 14^{\mathrm{b,c}}$
F 值		18.918	8.176	14.255	5.642	82.701
<i>P</i> 值		< 0.001	< 0.001	< 0.001	0.002	< 0.001

表 5 各组早产大鼠旷场实验总体结果比较 $(\bar{x} \pm s)$

注: a示与对照组比较, P<0.05; b示与模型组比较, P<0.05; c示与空载体组比较, P<0.05。

3 讨论

CNS 内少突胶质细胞的丢失、星形胶质细胞 过度增生及神经元的损伤是宫内感染所致脑损伤 早产儿发生远期神经系统后遗症的重要机制^[16]。 近年的研究发现, NgR 在成熟的 CNS 损伤后的修 复中具有至关重要的作用^[17-18],而在啮齿动物 CNS 的发育过程中, NgR 在胚胎中的表达始于 13 d, 参与调控神经干细胞和少突胶质细胞的分化及 CNS 小胶质等免疫细胞的黏附和迁移,维持 CNS 发育的完整性[6.19-20]。宫内感染时,胎儿或新生儿 CNS 内小胶质细胞的活化是导致早产和脑损伤发 生的关键因素^[21],其关键机制是活化的小胶质细 胞抑制 OPCs 增殖、诱导 OPCs 凋亡导致髓鞘发育 障碍^[22]。本研究应用外源性 LPS 经孕母鼠腹腔注 射诱导早产,建立宫内感染所致早产大鼠脑损伤 模型,并以RU486诱导的单纯早产大鼠为对照, 结果发现:在P3时,模型组脑组织NgRmRNA的 表达、活性 RhoA 蛋白水平和小胶质细胞活化程度 均明显高于对照组; O4⁺ 的 OPCs 明显少于对照组; 脑室周围白质结构疏松、神经纤维紊乱,可见软 化灶。表明应用 LPS 可诱导宫内感染所致早产大 鼠发生脑损伤,且 NgR/RhoA 信号通路的激活、小 胶质细胞过度活化可能参与该病理损伤过程。

小分子 RNA 干扰是有效基因沉默技术,近年 来的研究表明在 CNS 其干扰抑制目标基因表达的 效能非常高^[23]。本研究结果发现:在 P3 时, NgRsiRNA 组脑组织 NgR mRNA 表达量显著低于模型 组和空载体组,同对照组比较差异无统计学意义; 但至 P7、P14 时,各组间的比较差异无统计学意义。 表明经侧脑室一次性注射 NgR 特异性 siRNA 可有 效沉默 NgR 基因的表达,且干扰效能可持续一定 的时间。

在 CNS 中,除大脑皮层、海马神经元、脑桥等表达 NgR^[6],OPCs、单核细胞和小胶质细胞均有表达^[7,24],通过其下游主要信号分子 RhoA 发挥调控细胞增值、分化、凋亡 / 坏死等生物学作用^[17]。 Pedraza 等^[25]研究发现,抑制 RhoA 活化可促进 OPCs 的成熟和髓鞘形成。小胶质细胞的迁移、黏 附和活化与 NgR/RhoA 信号密切相关^[7]。本研究结 果发现:在 P3、P7 时,NgR-siRNA 组活性 RhoA 蛋白水平和小胶质细胞活化程度均明显低于模型 组和空载体组,同对照组比较差异无统计学意义; 但至 P14 时,各组间比较差异无统计学意义。同 时,脑组织免疫荧光发现:在P3时,NgR-siRNA 组 04⁺ 的三极形态和网状相连的多突起形态的细 胞明显多于模型组和空载体组,同对照组基本一 致; 至 P7、P14 时, NgR-siRNA 组细胞多数呈网 状相连的多突起及片状形态,明显不同于模型组 和空载体组散在分布的不规则形态细胞。病理学 结果进一步证实,在P14时,NgR-siRNA 组脑室 周围白质神经纤维紊乱及结构疏松较轻,未见明 显软化灶。表明沉默 CNS NgR 基因表达,可有效 抑制 RhoA 蛋白的激活及小胶质细胞过度活化,促 进 OPCs 的分化和成熟减轻脑损伤。此外,有研究 已表明损伤的 OPCs 不仅导致髓鞘发育障碍,还改 变局部微环境,抑制神经元前体细胞的分化、增 殖^[26]。RhoA 信号在神经元的发育、存活及退变中 具有关键作用^[27],高表达的 RhoA 可导致出生后皮 层神经元发生凋亡^[28],抑制受损神经元轴突生长 和重塑^[20,29]。可见一定时间内沉默 NgR 基因的表 达在宫内感染所致早产大鼠脑损伤修复中可能具 有神经保护作用。

神经行为学检测是目前全面综合判断动物脑 损伤模型的常用方法,其中悬吊实验主要是反映 上肢及躯干平衡功能的情况,斜坡实验可以反映 大鼠的躯体运动功能的情况, 旷场实验总路程和 平均速度以及跨格次数被视为反映大鼠自发运动 的主要数据,中心区运动时间和路程反映情绪及 认知功能^[14-15,30]。本研究对各组早产大鼠 P30 时 行神经行为学检测结果发现:模型组斜坡实验时 间、旷场实验中心区活动的时间和路程明显高于 对照组,悬吊实验评分、旷场实验活动总路程、 平均速度和跨格次数小于对照组,且差异有统计 学意义。表明脑损伤早产大鼠存在明显的躯体运 动功能、平衡能力、协调能力、环境适应能力及 认知能力的障碍。NgR-siRNA 组在悬吊实验评分 及旷场实验活动总路程、平均速度和跨格次数明 显大于模型组和空载体组: 但在中心区活动的时 间和路程及斜坡实验时间上明显少于模型组和空 载体组;与对照组比较差异均无统计学意义。提 示 siRNA 沉默 NgR 基因表达可显著改善宫内感染 所致脑损伤早产大鼠的肌力、平衡能力、协调能力、 环境适应能力及认知能力。

总之,早期经侧脑室一次性注射 NgR 特异性 siRNA 可有效沉默 CNS NgR 基因表达,通过 RhoA 信号,抑制小胶质细胞活化、促进 OPCs 分化和成 熟及神经元轴突生长和重塑,在宫内感染所致早 产大鼠脑损伤修复中发挥神经保护作用。

[参考文献]

- de Vries LS, Benders MJ, Groenendaal F. Progress in neonatal neurology with a focus on neuroimaging in the preterm infant[J]. Neuropediatrics, 2015, 46(4): 234-241.
- [2] Mwaniki MK, Atieno M, Lawn JE, et al. Long-term neurodevelopmental outcomes after intrauterine and neonatal insults: a systematic review[J]. Lancet, 2012, 379(9814): 445-452.
- [3] Pugni L, Pietrasanta C, Acaia B, et al. Chorioamnionitis and neonatal outcome in preterm infants: a clinical overview[J]. J Matern Fetal Neonatal Med, 2016, 29(9): 1525-1529.
- [4] Migale R, Herbert BR, Lee YS, et al. Specific lipopolysaccharide serotypes induce differential maternal and neonatal inflammatory responses in a murine model of preterm labor[J]. Am J Pathol, 2015, 185(9): 2390-2401.
- [5] Volpe JJ, Kinney HC, Jensen FE, et al. The developing oligodendrocyte: key cellular target in brain injury in the premature infant[J]. Int J Dev Neurosci, 2011, 29(4): 423-440.
- [6] Borrie SC, Baeumer BE, Bandtlow CE. The Nogo-66 receptor family in the intact and diseased CNS[J]. Cell Tissue Res, 2012, 349(1): 105-117.
- [7] Yan J, Zhou X, Guo JJ, et al. Nogo-66 inhibits adhesion and migration of microglia via GTPase Rho pathway in vitro[J]. J Neurochem, 2012, 120(5): 721-731.
- [8] Wills ZP, Mandel-Brehm C, Mardinly AR, et al. The nogo receptor family restricts synapse number in the developing hippocampus[J]. Neuron, 2012, 73(3): 466-481.
- [9] Cao Y, Dong YX, Xu J, et al. Spatiotemporal expression of Nogo-66 receptor after focal cerebral ischemia[J]. Neural Regen Res, 2016, 11(1): 132-136.
- [10] Israelsson C, Flygt J, Åstrand E, et al. Altered expression of myelin-associated inhibitors and their receptors after traumatic brain injury in the mouse[J]. Restor Neurol Neurosci, 2014, 32(5): 717-731.
- [11] Yin HL, Wang YL, Li JF, et al. Effects of curcumin on hippocampal expression of NgR and axonal regeneration in Aβinduced cognitive disorder rats[J]. Genet Mol Res, 2014, 13(1): 2039-2047.
- [12] Pourabdolhossein F, Mozafari S, Morvan-Dubois G, et al. Nogo receptor inhibition enhances functional recovery following lysolecithin-induced demyelination in mouse optic chiasm[J]. PLoS One, 2014, 9(9): e106378.
- [13] Burd I, Balakrishnan B, Kannan S. Models of fetal brain injury, intrauterine inflammation, and preterm birth[J]. Am J Reprod Immunol, 2012, 67(4): 287-294.

- [14] Wilson MD. Animal models of cerebral palsy: hypoxic brain injury in the newborn[J]. Iran J Child Neurol, 2015, 9(2): 9-16.
- [15] 陈光福,张蕴芳,龙琦,等.丰富环境干预促进缺氧缺血性脑损伤新生大鼠神经元细胞增殖和功能修复[J].中国当代儿科杂志,2012,14(2):139-143.
- [16] Burd I, Chai J, Gonzalez J, et al. Beyond white matter damage: fetal neuronal injury in a mouse model of preterm birth[J]. Am J Obstet Gynecol, 2009, 201(3): 279.e1-279.e8.
- [17] Pernet V, Schwab ME. The role of Nogo-A in axonal plasticity, regrowth and repair[J]. Cell Tissue Res, 2012, 349(1): 97-104.
- [18] Shen Y. Traffic lights for axon growth: proteoglycans and their neuronal receptors[J]. Neural Regen Res, 2014, 9(4): 356-361.
- [19] McDonald CL, Bandtlow C, Reindl M. Targeting the Nogo receptor complex in diseases of the central nervous system[J]. Curr Med Chem, 2011, 18(2): 234-244.
- [20] Schmandke A, Mosberger AC, Schmandke A, et al. The neurite growth inhibitory protein Nogo-A has diverse roles in adhesion and migration[J]. Cell Adh Migr, 2013, 7(6): 451-454.
- [21] Baburamani AA, Supramaniam VG, Hagberg H, et al. Microglia toxicity in preterm brain injury[J]. Reprod Toxicol, 2014, 48: 106-112.
- [22] Kleinsimlinghaus K, Marx R, Serdar M, et al. Strategies for repair of white matter: influence of osmolarity and microglia on proliferation and apoptosis of oligodendrocyte precursor cells in different basal culture media[J]. Front Cell Neurosci, 2013, 7: 277.
- [23] Boudreau RL, Rodríguez-Lebrón E, Davidson BL. RNAi medicine for the brain: progresses and challenges[J]. Hum Mol Genet, 2011, 20(R1): R21-R27.
- [24] Huang JY, Wang YX, Gu WL, et al. Expression and function of myelin-associated proteins and their common receptor NgR on oligodendrocyte progenitor cells[J]. Brain Res, 2012, 1437: 1-15.
- [25] Pedraza CE, Taylor C, Pereira A, et al. Induction of oligodendrocyte differentiation and in vitro myelination by inhibition of rho-associated kinase[J]. ASN Neuro, 2014, 6(4): 1-17.
- [26] Sypecka J, Sarnowska A. The neuroprotective effect exerted by oligodendroglial progenitors on ischemically impaired hippocampal cells[J]. Mol Neurobiol, 2014, 49(2): 685-701.
- [27] Stankiewicz TR, Linseman DA. Rho family GTPases: key players in neuronal development, neuronal survival, and neurodegeneration[J]. Front Cell Neurosci, 2014, 8: 314.
- [28] Sanno H, Shen X, Kuru N, et al. Control of postnatal apoptosis in the neocortex by RhoA-subfamily GTPases determines neuronal density[J]. J Neurosci, 2010, 30(12): 4221-4231.
- [29] Petrinovic MM, Duncan CS, Bourikas D, et al. Neuronal Nogo-A regulates neurite fasciculation, branching and extension in the developing nervous system[J]. Development, 2010, 137(15): 2539-2550.
- [30] Shehadah A, Chen J, Cui X, et al. Combination treatment of experimental stroke with Niaspan and Simvastatin, reduces axonal damage and improves functional outcome[J]. J Neurol Sci, 2010, 294(1-2): 107-111.